

IDENTIFICAÇÃO DOS PRINCIPAIS GENÓTIPOS DE HPV PRESENTES NO BRASIL

INTRODUÇÃO: O Papilomavírus Humano (HPV) provoca uma das ISTs mais comuns no mundo. A infecção pode ser decorrente de diferentes genótipos, de alto ou baixo risco oncogênico, e tem como consequência verrugas genitais, lesões intraepiteliais, além de ser a principal causa de câncer de colo uterino. A identificação dos genótipos mais comuns se faz necessária, para que ocorra acompanhamento mais adequado a cada paciente, haja vista sua ocorrência em grande escala no Brasil, e o risco de o HPV provocar consequências irreversíveis. **OBJETIVO:** O objetivo do presente estudo foi revisar os principais genótipos de HPV, de alto e baixo risco que acometem as mulheres no Brasil, por região. **MÉTODO:** Para a obtenção dos artigos revisados nesse trabalho, foram consultados os bancos de dados digitais LILACS, PubMed, SciElo, Web Of Science, com estratégias de busca individualizadas, sendo encontrados 327 artigos e selecionados 27 pela leitura do título e do resumo. **RESULTADOS:** Os resultados demonstram que o tipo de HPV predominante no Brasil é o 16, seguido do 18, 56 para população rural e 16 em imunossuprimidos. As regiões Norte, Nordeste e Centro-Oeste seguem esse padrão para a população geral, com o diferencial que o segundo mais frequente no Centro-Oeste é o tipo 33 e a população quilombola do Nordeste apresenta mais frequentemente o tipo 68, seguido do 58. A Região Sul apresentou o tipo 18 como mais prevalente, seguido do 16. A Região Sudeste, diferentemente, apresentou o tipo 62 como principal. **CONCLUSÃO:** Foi observado, ao longo do estudo, que as infecções por tipos de HPV de alto risco foram mais frequentes, principalmente em áreas mais afastadas, sendo o genótipo 16 o mais encontrado, no entanto os resultados poderiam alternar de acordo com o local da população analisada. Ademais, há poucas menções sobre sobre os principais genótipos de baixo risco.

PALAVRAS-CHAVE: Mulher. Papilomaviridae. Genótipo.