**ESTUDO DOS POLIMORFISMOS *APAI E TAQI* DO GENE DO RECEPTOR DE VITAMINA D NA HANSENÍASE**

Letícia Siqueira Moura[[1]](#footnote-2) Email: [letysiq@outlook.com](mailto:letysiq@outlook.com)

Jasna Letícia Pinto Paz[[2]](#footnote-3)

Everaldina Cordeiro dos Santos[[3]](#footnote-4)

Maria do Perpetuo Socorro Correa Amador Silvestre [[4]](#footnote-5)

Luana Nepomuceno Gondim Costa Lima[[5]](#footnote-6)

A evolução da hanseníase depende de aspectos imunológicos e genéticos do hospedeiro, sendo forma ativa da vitamina D fundamental para a regulação do sistema imune. Estudos implicaram a variação de polimorfismos de nucleotídeo único (SNPs) no gene do receptor de vitamina D (VDR) com a susceptibilidade a várias doenças, incluindo a tuberculose e a hanseníase. O objetivo foi verificar a relação entre os SNPs ApaI (rs7975232) e *TaqI* (rs731236) do gene do VDR e a hanseníase. O estudo foi realizado com indivíduos dos municípios de Rondon do Pará, Goianésia, Curionopolis, Parauapebas e Canaã, no estado do Pará, Brasil. Foram inclusos de 246 individuos, sendo 61 multibacilare (MB), 35 paucibacilares (PB) e 150 contatos. Foi realizada a coleta de sangue para a extração de DNA e análise do polimorfismo ApaI (rs7975232) e *TaqI* (rs731236) do gene VDR, submetido a técnica da reação em cadeia da polimerase (PCR) e tipificados através do sequenciador ABI 3130 Genetic Analyzer (Applied Biosystems®). O presente trabalho está vinculado ao projeto de pesquisa “Avaliação da transmissão do *Mycobacterium leprae* e suscetibilidade genética à hanseníase em regiões endêmicas do Estado do Pará” aprovado pelo Comitê de Ética e Pesquisa do IEC, com o número do parecer: 1.255.80. Para o SNP *TaqI* não foi obervada diferença na distribuição dos genótipos entre os grupos, sendo o genótipo A/A o mais encontrado na população em estudo. Para o SNP *ApaI*, na presente pesquisa foi observada uma associação do genótipo A/A com a forma multibacilar da hanseníase e do genótipo C/A com a proteção à doença. Foi observada uma associação do haplótipo C/C A/A com a forma multibacilar e o haplótipo C/A A/A com a proteção a doença. O genótipo G/A do *TaqI* foi associado à uma melhor resposta celular e um melhor perfil de proteção da vacina BCG. Não houve associação estatisticamente significante entre os polimorfismos *TaqI* e *ApaI* do gene VDR e a positividade ou negatividade para o anti-PGL-I.

**Palavras-chave**: Hanseníase. Polimorfismo. Vitamina D.

1. Graduanda em Ciências Naturais – Habilitação Biologia. Universidade do Estado do Pará (UEPA). [↑](#footnote-ref-2)
2. Mestranda em Biologia Parasitaria na Amazônia, Universidade do Estado do Pará (UEPA). [↑](#footnote-ref-3)
3. Mestre, Instituto Evandro Chagas (IEC). [↑](#footnote-ref-4)
4. Doutora. Instituto Evandro Chagas (IEC). [↑](#footnote-ref-5)
5. Doutora. Instituto Evandro Chagas (IEC). [↑](#footnote-ref-6)