

UM BREVE HISTÓRICO SOBRE A ORIGEM E USO DE ANTIMICROBIANOS E TENDÊNCIAS PARA O FUTURO

Maria Luisa Lopes da Silva¹, Ádria Paes de Souza Costa², Aira Cristiny da Silva Nunes³, Hanna Roberta Monteiro Chagas⁴, Yasmin Kellen Chagas Batista⁵, Nilson Veloso Bezerra⁶

- ¹ Acadêmica de biomedicina Universidade do Estado do Pará (UEPA). maria.lldsilva@aluno.uepa.br
 - ² Acadêmica de biomedicina, Universidade do Estado do Pará (UEPA), adriapaescosta@gmail.com
 - ³ Acadêmica de biomedicina, Universidade do Estado do Pará (UEPA), <u>airacristiny04@gmail.com</u>
- ⁴Acadêmica de biomedicina, Universidade do Estado do Pará (UEPA), <u>roberta62442@gmail.com</u>
- ⁵Acadêmica de biomedicina, Universidade do Estado do Pará (UEPA), <u>yasminkellenbatista@gmail.com</u>
- ⁶ Doutor em Entomologia com Ênfase em Controle Microbiano, Professor na Universidade do Estado do Pará (UEPA), <u>nbezerra@yahoo.com</u>

Resumo

Objetivo: A descoberta dos antimicrobianos indubitavelmente reformulou a forma como estudamos e escolhemos práticas clínicas, sendo um grande avanço para a garantia da saúde pública; porém, conforme foram descobertos novos fármacos, foram selecionadas populações resistentes às terapias. Assim, este estudo objetiva abordar as novas ferramentas estudadas para contornar essa problemática. Metodologia: Este trabalho trata-se de um artigo de revisão narrativa; foi realizada uma pesquisa nas bases de dados Pubmed, Scielo e Google Scholar, onde foram selecionados artigos que obrigatoriamente abordavam pontos de relevância para a temática proposta. Resultados/discussão: Foram encontrados na literatura a coadministração de antibióticos, a busca por microrganismos produtores de antimicrobianos em ambientações diferentes, utilização de soluções, nanopartículas, fagos e *Machine Learning*. Conclusão: Apesar do viés negativista relacionado ao aumento de bactérias multirresistentes com a concomitante limitação terapêutica, ainda há muitos campos de estudo não explorados que podem garantir o combate a esses organismos de forma responsável.

Palavras-chave: Antimicrobianos; Actinomicetos; Farmacorresistência Bacteriana;

Novas terapias.

Área temática: Bacteriologia.

INTRODUÇÃO









Apesar da descoberta dos antimicrobianos ser popularmente atribuída ao século XX, evidências sugerem que eles existem há muito mais tempo, com registros arqueológicos descrevendo práticas medicinais em diversas etnias e o uso de terapias com características antimicrobianas semelhantes às atuais (Hutchings *et al*, 2019). Os antimicrobianos são agentes capazes de atuar na contenção de populações de microrganismos, como bactérias, parasitos e fungos. Dentro dessa classificação, existem os antibióticos, que provém do termo 'antibiose' empregado nas publicações de Paul Vuillemin para explanar acerca de interações desarmônicas entre espécies (Nicolaou; Rigol, 2018; Baranova *et al*, 2023).

O uso clínico de antibióticos começou com Emmerich e Löw, que extraíram a piocianase da bactéria *Pseudomonas aeruginosa* (conhecida na época como *Bacillus pyocyaneus*) para tratar difteria, meningite e como enxaguante bucal (Gonçalves; Vasconcelos, 2021). Em 1928, Fleming observou a morte de bactérias próximas ao mofo, levando à descoberta da penicilina, que revolucionou a terapia antimicrobiana. Esses achados, mesmo acidentais, permitiram a popularização da penicilina (Tan; Tatsumura, 2010; Gerberi, 2024).

A partir da descoberta da penicilina, outros antibióticos por meio da utilização de microrganismos, como fungos e bactérias, surgiram. Particularmente, os actinomicetos possuem uma enorme utilidade para a produção de agentes farmacológicos, pois são bactérias que possuem um proteoma único capaz de sintetizar diversos compostos bioativos com mecanismos de ação variados (Simeis; Serra, 2021).

Na década de 1940, conhecida como a *Golden Age* dos antimicrobianos, surgiram medicamentos produzidos por microrganismos do gênero *Actinomyces* com o auxílio da plataforma de Waksman, como aminoglicosídeos, tetraciclinas, glicopeptídeos e macrolídeos, além de outros antimicrobianos derivados de bactérias e fungos. Embora muitos desses medicamentos ainda sejam utilizados no tratamento de infecções e como agentes antiblásticos, o aumento de bactérias multirresistentes tem gerado preocupações, pois os avanços na microbiologia e farmacoterapia não acompanham a rápida seleção de genes de resistência. Este estudo visa investigar o desenvolvimento, avanços e









refinamentos na produção de fármacos antimicrobianos, reconhecendo a contribuição histórica para essas descobertas (Hutchings *et al.*, 2019).

METODOLOGIA

O presente estudo trata-se de uma revisão narrativa da literatura, em que foram pesquisados trabalhos em bases de dados secundárias, como o Pubmed, Google Scholar e Scielo. Dentro das bases de dados, foram utilizadas as palavras-chave "antimicrobial", "bacterial resistance", "antimicrobial potential" e "novel therapies on antimicrobials", sem utilização de filtros, datados de 1945 até 2024, haja vista a proposta da revisão. Mediante a busca das palavras-chave, foram selecionados artigos conforme título e resumo, que obrigatoriamente continham informações acerca da concepção e utilização de fármacos antimicrobianos no passado ou com o desenvolvimento de novas estratégias para a utilização medicamentos que combatem bactérias.

RESULTADOS E DISCUSSÃO

O uso de peptídeos antimicrobianos tem se destacado devido à sua abundância na natureza e facilidade de produção em laboratório. Esses peptídeos foram encontrados em diversos organismos, como plantas e insetos, e a exploração de cepas de *Actinomyces* em ecótopos pode ser uma alternativa para combater a resistência bacteriana, que ameaça a eficácia dos fármacos. O gênero *Actinomyces* é relevante por seu potencial na síntese de novos antimicrobianos, tornando essencial o estudo de ecossistemas pouco explorados, como os manguezais (Simeis; Serra, 2021; Boparai; Sharma, 2020).

Ainda, a fagoterapia que utiliza fagos para combater infecções bacterianas, é uma alternativa promissora para pacientes com cepas resistentes a múltiplos antibióticos, oferecendo uma abordagem personalizada e altamente eficaz. Contudo, enfrenta desafios logísticos, como a incerteza de que um único fago seja capaz de combater diferentes bactérias ou até mesmo variantes da mesma cepa, devido à resistência bacteriana, o que limita sua comercialização em larga escala. Além disso, em pacientes imunocompetentes, a eficácia dos fagos pode ser comprometida pela ação das imunoglobulinas humanas, que neutralizam seu efeito lítico. Apesar dessas dificuldades, a fagoterapia pode ser uma









opção de última instância ou complementar a outros tratamentos farmacológicos (Hatfull *et al.*, 2022).

As soluções iônicas, compostas por substâncias eletrolíticas e polímeros, são amplamente empregadas na farmacologia devido às suas propriedades que favorecem a formulação e metabolização de medicamentos, melhorando a solubilidade e permeabilidade, com menor toxicidade. Recentemente, observou-se seu potencial antimicrobiano, pois formam poros na membrana bacteriana, causando extravasamento de citoplasma e morte celular. Embora não sejam o agente principal, podem ser co-administradas com antimicrobianos para potencializar seu efeito. Similarmente, o uso de nanopartículas pode causar danos à membrana, além modular a expressão gênica e a sinalização celular por exposição a metais e óxidos metálicos, interrompendo funções metabólicas vitais, como a síntese de ATP, degradação de proteínas estruturais e replicação de DNA, levando à morte por estresse oxidativo (Roy *et al.*, 2022).

Uma alternativa para combater as cepas bacterianas resistentes é o uso de *Machine Learning*, que combina Inteligência Artificial com algoritmos matemáticos e computacionais para prever padrões de resistência a antimicrobianos e descobrir novas moléculas terapêuticas. Essa tecnologia é viável devido aos avanços na compreensão da estrutura molecular de antimicrobianos existentes e ao uso de estudos proteômicos e metabolômicos, que permitem processar grandes volumes de dados para identificar novas estruturas químicas para fármacos (Panjla *et al.*, 2024).

CONCLUSÃO

A diversidade de mecanismos de resistência bacteriana e a crescente necessidade de novas terapias são desafios diante da adaptabilidade das bactérias, o que pode levar a um cenário futuro semelhante ao período pré-penicilina, com infecções sem opções de tratamento. No entanto, este estudo evidenciou os esforços da comunidade acadêmica para aprimorar terapias existentes e explorar áreas pouco conhecidas, com o objetivo de preservar a saúde dos pacientes. Embora haja desafios metodológicos, os resultados são promissores, destacando o potencial de estratégias como o entendimento dos mecanismos de resistência, a exploração de novos ambientes, a co-administração de fármacos, o uso









de nanotecnologia e a aplicação de *Machine Learning* para previsões e desenvolvimento de novos tratamentos.

REFERÊNCIAS:

BARANOVA, A.; ALFEROVA, V.; KORSHUN, V.; TYURIN, A. Modern Trends in Natural Antibiotic Discovery. **Life (Basel)**. v. 13(5) p. 1073, 2023. doi: 10.3390/life13051073.

BOPARAI, J.; SHARMA, P. Mini Review on Antimicrobial Peptides, Sources, Mechanism and Recent Applications. **Protein Pept Lett.** v. 27(1) p. 4-16, 2020. doi: 10.2174/0929866526666190822165812.

GONÇALVES, T.; VASCONCELOS, U. Colour Me Blue: The History and the Biotechnological Potential of Pyocyanin. **Molecules**. v. 26(4) p. 927, 2021. doi: 10.3390/molecules26040927.

HATFULL, G.; DEDRICK, R.; SCHOOLEY, R. Phage Therapy for Antibiotic-Resistant Bacterial Infections. **Annu Rev Med.** v. 73 p. 197-211, 2022. doi: 10.1146/annurev-med-080219-122208.

HIBBERT, T.; KRPETIC, Z.; LATIMER, J.; *et al.* Antimicrobials: An update on new strategies to diversify treatment for bacterial infections. **Adv Microb Physiol**. v. 84 p. 135-241, 2024. doi: 10.1016/bs.ampbs.2023.12.002.

HUTCHINGS, M.; TRUMAN, A.; WILKINSON, B. Antibiotics: past, present and future. **Curr Opin Microbiol.** v. 51 p. 72-80, 2019. doi: 10.1016/j.mib.2019.10.008. Epub 2019 Nov 13.

NICOLAOU, K.; RIGOL, S. A brief history of antibiotics and select advances in their synthesis. **J Antibiot**. v. 71, p. 153–184, 2018. https://doi.org/10.1038/ja.2017.62.

PANJLA, A.; JOSHI, S.; SINGH, G.; *et al.* Applying Machine Learning for Antibiotic Development and Prediction of Microbial Resistance. **Chem Asian J.** v. 19(18), e202400102, 2024. doi: 10.1002/asia.202400102.

ROY, S.; SARKHEL, S.; BISHT, D.; *et al.* Antimicrobial mechanisms of biomaterials: from macro to nano. **Biomater Sci.** v. 10(16) p. 4392-4423, 2022. doi: 10.1039/d2bm00472k.

SIMEIS, D.; SERRA, S. Actinomycetes: A Never-Ending Source of Bioactive Compounds-An Overview on Antibiotics Production. **Antibiotics (Basel)**. v. 10(5) p. 483, 2021. doi: 10.3390/antibiotics10050483.

TAN, S.; TATSUMURA, Y. Alexander Fleming (1881-1955): Discoverer of penicillin. **Singapore Med J.** v. 56(7) p. 366-7, 2015. doi: 10.11622/smedj.2015105.





