

EXPRESSÃO DO GENE *AURKB* EM TECIDOS MORFOLOGICAMENTE DISTINTOS DA CAVIDADE ORAL, INSTABILIDADE GENÔMICA E DESENVOLVIMENTO NEOPLÁSICO

Leandra de Jesus Sonogo¹; Giuliana Moura Marchese¹; Gabriella Leite Sampaio¹; Leandro Hirata Mendes¹; Ronaldo Rogério Péres Júnior¹; Mariana Neves Tavares¹; Aline Monezi Montel²; Edismair Garcia²; Carla Silva Siqueira³; Fábio Morato de Oliveira³

¹.Discente do Curso de Medicina, Regional Jataí/UFG

².Técnico de Laboratório/Curso de Medicina, Regional Jataí/UFG

³. Docente do Curso de Medicina, Regional Jataí/UFG

Introdução-objetivo: Diante da existência de trabalhos progressos conclusivos à respeito da interrelação direta entre o desenvolvimento e progresso neoplásico e o grau de instabilidade genômica observado nesses processos, e ainda, diante da importância do estudo das desordens neoplásicas ou potencialmente malignas em termos de saúde pública, o presente trabalho objetivou estudar comparativamente o nível de expressão gênica e acompanhar a dinâmica dessa expressão em quatro diferentes estágios teciduais: tecido benigno, tecido com lesão traumática, tecido inflamatório e por fim, tecido neoplásico ou maligno. Para a avaliação, foi estudado o gene marcador *AURKB*, participante da família de genes aurora kinase, cuja expressão resulta em proteínas atuantes durante a movimentação e segregação cromossomal no período de divisão celular. **Metodologia:** Para a pesquisa realizada no desenvolvimento do presente trabalho, foram utilizadas 36 amostras advindas de biópsias da cavidade oral coletada em indivíduos submetidos ao serviço realizado pelo Ambulatório de *Diagnóstico Estomatológico do Sudoeste Goiano* (ADESGO). Do ponto de vista histológico, essas amostras foram classificadas em quatro diferentes grupos, como exposto: tecido benigno (10), lesão traumática (11), lesão inflamatória (7) e tecido maligno (8). Para fins de avaliação dos níveis de expressão do gene *AURKB*, o RNA mensageiro total foi obtido por meio da extração utilizando-se o reagente Trizol, conforme protocolo estabelecido. Os níveis de expressão do gene *AURKB* foram relacionados ao gene constitutivo GAPDH. Os resultados foram obtidos por meio da técnica de PCR em tempo real. **Resultados:** Os resultados obtidos permitiram a verificação de uma diversidade significativa nessa expressão gênica. Constatou-se que, partindo-se do tecido benigno, seguido por lesão traumática, lesão inflamatória e, por fim, tecido maligno, os níveis de expressão de *AURKB* foram aumentando gradativamente, apresentando, portanto, maiores níveis no tecido maligno ($p < 0,0001$). Com isso, as amostras teciduais demonstraram elevação no grau de instabilidade genômica conforme o nível de complexidade tecidual progredia. Assim, concluímos que os dados obtidos sugerem que os níveis de expressão do gene *AURKB* possa ser utilizados como biomarcador de instabilidade no genoma.

Com o desenvolvimento da pesquisa, mais amostras serão obtidas para que possamos corroborar os dados e informações obtidos.

Palavras-chave: Lesões orais, expressão gênica, AURKB, neoplasia

N° de Protocolo de CEP ou CEUA: 69791717.0.0000.5083

Fonte Financiadora: FINANCIAMENTO PRÓPRIO