## Anuário de Resumos 2021





## ANÁLISE ESTATÍSTICA ATRAVÉS DE BOXPLOT DE AMOSTRAS DE PCR

**Lucca Muniz Coelho**<sup>1</sup>; Randson Davi Mendes Santos<sup>2</sup>; Bruno Corrêa Arvan<sup>3</sup>; Valmara Silveira Ponte<sup>4</sup>; Vinicius Pinto Rocha<sup>5</sup>; Milena Botelho Pereira Soares <sup>6</sup>; Valéria Loureiro da Silva<sup>7</sup>

- <sup>1</sup> Graduando em Engenharia Elétrica; Iniciação Cientifica FAPESB; <u>Imunizcoelho@gmail.com</u>
- <sup>2</sup> Graduado em Física; Bolsista FIOCRUZ; davissantoii@gmail.com
- <sup>3</sup> Graduando em Engenharia Elétrica; Bolsista FIOCRUZ; arvanbruno@gmail.com
- <sup>4</sup> Mestre em Mecatrônica; Centro Universitário SENAI CIMATEC; Salvador-BA; <u>valmara.ponte@fieb.org.br</u>
- <sup>5</sup> Doutor em Patologia Humana; FIOCRUZ; Salvador-BA; vinicius.rocha@fieb.org.br
- <sup>6</sup> Doutora em Ciências Biológicas; FIOCRUZ; Salvador-BA; milena.soares@fieb.org.br
- <sup>7</sup> Doutora em Física; Centro Universitário SENAI CIMATEC; Salvador-BA; <u>valeria.dasilva@fieb.org.br</u>

### **RESUMO**

A aplicação da fluorescência no ramo de detecção para área de saúde, é muito presente em diversos processos. Na pandemia atual, essa aplicação se faz presente na detecção de fluorescência do teste PCR para diagnostico SARS-COV-2. Está sendo desenvolvido um fluorímetro portátil para leitura de testes usando a técnica RT-RPA, buscando viabilizar uma alternativa mais rápida e simples para os testes de RT-qPCR. Em testes de bancada buscou-se a otimização dos parâmetros de excitação e detecção do fluorímetro, utilizando quatro grupos de amostras previamente caracterizadas num equipamento de RT-qPCR. Os dados obtidos foram analisados através de gráficos Box Plots, que permitiram identificar os limites da distribuição e amostras do tipo outliers.

PALAVRAS-CHAVE: Box Plot, PCR; RPA; fluorímetro.

### 1. INTRODUÇÃO

Na pandemia de SARS-COV-2, o uso de fluorescência para identificação da presença do vírus através da reação RT-PCR (*Reverse Transcriptase - Polymerase Chain Reaction -* Reação em Cadeia da Polimerase)<sup>1</sup>, ganhou destaque e notoriedade. O PCR em tempo real é um processo de amplificação do material genético que quando presente, reage com um fluoróforo adicionado à amostra para desempenhar a função sonda.¹ Através de um fluorímetro, equipamento com uma fonte de excitação e um sensor capaz de detectar a luz fluorescente, é possível determinar e quantificar a presença do vírus numa amostra.

A problemática desse tipo de análise está no equipamento, que requer uma infraestrura laboratorial com pessoal treinado e possui custo alto. Além disso, utiliza um termociclador para alternar os passos de hibridização e amplificação durante o processo de PCR¹, e consequentemente demanda maior tempo para obtenção dos resultados.

Buscando solucionar esse problema foi proposto o desenvolvimento da técnica PCR Isotérmica ou RT-RPA (*Reverse Transcriptase - Recombinase polymerase amplification*), processo que ocorre numa temperatura constante e de maneira mais rápida², associada à de um fluorímetro portátil. Isso proporcionaria uma simplificação no teste e redução do custo, aumentando o acesso a esse tipo de teste. Num primeiro passo para otimizar as condições de operação do fluorímetro em desenvolvimento, foram coletados dados de amostras previamente medidas num equipamento comercial. Este artigo reporta a análise estatística desses dados utilizando a ferramenta Box *Plot*.<sup>3</sup>

O *Boxplot* é um tipo de gráfico usado regularmente na pesquisa científica e a sua construção é possível por meio de diversos *softwares* estatísticos.<sup>3</sup> Ele permite a identificação de métricas de um conjunto de dados como média, mediana, percentagem de concentração (através da análise dos quartis) e dados *outliers*, que são dados que fogem ao esperado. E com isso é possível identificar as situações que geram melhores resultados e comparar os valores obtidos para tipos diferentes de amostras.

#### 2. METODOLOGIA

As amostras utilizadas nos testes foram cedidas pelo ISI-SAS (Instituto SENAI de Sistemas Avançados de Saúde). As mesmas também foram previamente testadas por um equipamento comercial, o RT-qPCR em tempo real, modelo QuantiStudio 1 da Thermo Fisher Scientific, localizado no ISI-SAS, possibilitando um valor de referência para comparação.

Foram analisadas 120 amostras de controle e de diagnóstico entre 06/01/2021 e 10/02/2021. As amostras de controle detectam a presença do material genético humano, sendo que 47 eram positivas e 25 negativas onde o material genético foi substituído por água. Das amostras de diagnóstico, 25 testaram

## Anuário de Resumos 2021





positivo e 23 negativo para presença do SARS-COV-2 no equipamento de referência. Um fluorímetro de bancada utilizando um LED azul acoplado numa fibra óptica e um sensor espectral (AMS, mod. AS-7341) foi utilizado para medir a fluorescência emitida. Buscando otimizar os parâmetros de excitação e detecção do fluorímetro, foi caracterizada a resposta do sensor em ADC *counts* em função da corrente de alimentação do LED de excitação para 3 canais diferentes: o ciano, cuja banda de passagem está no pico da fluorescência produzida, o verde e o amarelo.

O resultado das medidas de fluorescênica foram analisados utilizando a ferramenta estatística *Box Plot,* conforme exemplicado na Fig. 1. Essa análise foi feita para todos os grupos de amostra para as diferentes correntes de alimentação de LED. O *Box Plot* permitiu identificar os limites da distribuição e as amostras outliers. Para essa análise foi utilizado o *Power Bl* como *software* de visualização dos gráficos, pois o mesmo possibilita a identificação mais dinâmica das métricas do *Box Plot*, especificamente quais amostras se comportavam como *outliers*. Para facilitar a uma comparação conjunta utilizou-se posteriormente o *Python* para plotar os mesmos gráficos e documentar os dados.

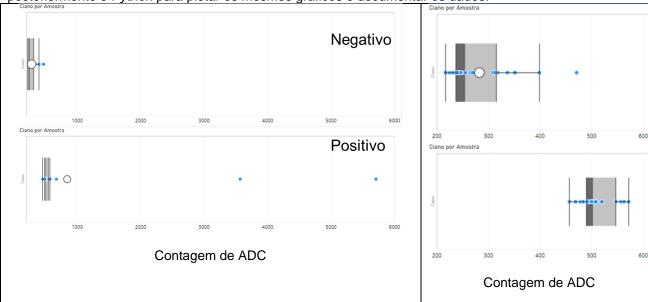


Figura 1: Box Plots de amostras positivas e negativas para SARS-COV2 quando utilizada o canal ciano e corrente de excitação do LED de 260mA. A figura da esquerda contém todas as amostras e a da esquerda um zoom para melhor visualização da maioria das amostras.

## 3. RESULTADOS E DISCUSSÃO

Para identificar a melhor configuração de excitação e detecção, foi plotada na Fig. 2 a separação entre as amostras que testaram positivo ou negativo para a presença de Sars-Cov-2 no equipamento de referência para os três canais monitorados, em função da corrente de excitação para as amostras. Os resultados são semelhantes para os canais ciano e verde e indicam que a corrente de alimentação do LED de excitação é ótima entre 0,26 e 0,39 A. As amostras de controle apresentaram resultados semelhantes.

# Anuário de Resumos 2021





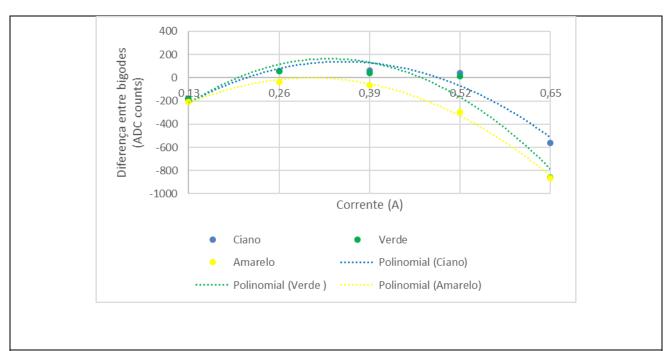


Fig. 2. Gráfico de diferença entre o Bigode Inferior das amostras que testarm negativo para o SARS-COV2 e Bigode Superior das amostras que testarm positivo para o SARS-COV2 em função da corrente.

## 4. CONSIDERAÇÕES FINAIS

Através da programação *Python* e do *software Power BI*, foi desenvolvida uma análise inicial das amostras do teste PCR. Através dos dados obtidos foi possível determinar a melhor intensidade luminosa a ser utilizada na excitação, ou seja, no LED, que foi com a corrente de 0,26 A, pois a mesma apresentou espaçamento interessante entres os *Boxes* e menos outliers quando comparada com correntes maiores. Dando continuidade ao trabalho de desenvolvimento, será analisada a lineraridade da resposta para as condições de interesse.

#### Agradecimentos

Os autores agradecem à Fapesb, SENAI-CIMATEC e Fio Cruz pelo apoio financeiro

#### 5. REFERÊNCIAS

<sup>1</sup>HEID, C. A.; Stevens, J.; LIVAK, K. J. & WILLIAMS, P. M. **Real time quantitative PCR**. Genome Res.6, p. 986–994, 1996. https://doi.org/10.1101/gr.6.10.986.

<sup>2</sup>LOBATO, I. M.; O'SULLIVAN, C. K. Recombinase polymerase amplification: Basics, applications and recent advances. TrAC Trends in Analytical Chemistry, v. 98, p. 19–35, 1 Jan. 2018.

<sup>3</sup>NETO, José Valladares. Boxplot: um recurso gráfico para a análise e interpretação de dados quantitativos, 3rd edn. Springer, New York, 2006.